

**To:** [redacted] [redacted]@rivm.nl; [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**From:** [redacted] [redacted]  
**Sent:** Mon 9/21/2020 3:26:08 PM  
**Subject:** RE: URGENT data FFX - koppeling met labdata compleet mixed up  
**Received:** Mon 9/21/2020 3:26:09 PM  
[Data Adam Afnamedatum Symptomen Leeftijd Uitslagen FFX-COVID-19 21-09-2020.XLS](#)

Hoi [redacted]

Ik ben er nog niet achter wat de vorige keer fout is gegaan. Maar in de bijlage in ieder geval opnieuw de data, deze zou moeten kloppen. Ik heb hem bij een aantal random gezinnen gecheckt en daar klopt het.

Groeten,

[redacted]

---

**Van:** [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Verzonden:** maandag 21 september 2020 16:28  
**Aan:** [redacted] [redacted]@rivm.nl; [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Onderwerp:** RE: URGENT data FFX - koppeling met labdata compleet mixed up

Hoi [redacted]

Heel graag een correcte samenvoeging zodat we met de analyses kunnen doorgaan. Er zitten nu een aantal mensen naast ikzelf om te springen, zogezegd. Wanneer lukt het?

Mvg

[redacted]

---

**From:** [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Sent:** maandag 21 september 2020 09:36  
**To:** [redacted] [redacted]@rivm.nl; [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Subject:** RE: URGENT data FFX - koppeling met labdata compleet mixed up

Dag [redacted]

Sorry, dat is mijn schuld. Ik weet niet wat er mis is gegaan, maar zal het uitzoeken en het juiste bestand opsturen. Ik kan zo helaas niet zeggen wat wel/niet klopt.

Groeten,

[redacted]

---

**Van:** [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Verzonden:** vrijdag 18 september 2020 17:20  
**Aan:** [redacted] [redacted]@rivm.nl; [redacted] [redacted]@rivm.nl  
**Onderwerp:** FW: URGENT data FFX - koppeling met labdata compleet mixed up  
**Urgentie:** Hoog

Hoi [redacted]

In bijgevoegde bestand is de koppeling van patiënten met labdata Ct waarden en labnummers compleet mixed up. De 0 / 1 resultaten bij monsters in bestand kloppen niet met Ct waarden in bestand. Dat betekent uren werk van mij door de goot nu. Klopt de koppeling met symptomen, afnamedatum van de diverse monsters, etc wel? Waar zit de split tussen bestanden, welke bestanden zijn gekoppeld?

Wie kan mij snel een juist bestand geven waar ik mee kan werken? Linker kant in bestand wel goed en alleen de koppeling met Ct waarden en labnummers niet? Waar zit split zodat ik in weekeinde toch door kan gaan met analyse etc?

Met vriendelijke groeten,

5.1.2e

---

**From:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Sent:** donderdag 10 september 2020 09:55  
**To:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Subject:** RE: URGENT data FFX

Hoi 5.1.2e

Hierbij nog alle data zoals je hieronder hebt benoemd. Ik voeg ook een legenda bestand toe, met meer uitleg wat iedere variabele betekent. Ik heb ook de Ct waardes en uitslagen van de index cases toegevoegd die bij het RIVM zijn gePCRd. In principe kun je de speeksel uitslagen ook gewoon toevoegen mbv de 6-cijferige patientnaam. Hoor graag als ik hier nog bij kan helpen.

Groeten,

5.1.2e

---

**Van:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Verzonden:** woensdag 9 september 2020 00:52  
**Aan:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>  
**Onderwerp:** URGENT data FFX  
**Urgentie:** Hoog

Hoi 5.1.2e

Waar op 5.1.2h vind ik in ieder geval:

- Datum afname monsters
- Symptomen
- Leeftijd
- Ct waarden of UNILAB nummers van de indexen die we op RIVM hebben gePCRd

Er staan nogal wat files. Welke moet ik hebben?

Ik wordt geacht vrijdag een praatje voor microbiologisch Nederland te houden over speeksel. Gisteren had ik speekselresultaten tot wat uit 1<sup>ste</sup> vial gePCRd kon worden. Ik stuur file update asap, of waar kan ik die in bovengenoemd pad zetten? Wil voor vrijdag graag de nieuwste speekselresultaten koppelen aan bovenstaande data.

Bedankt alvast!

Met vriendelijke groeten,

5.1.2e